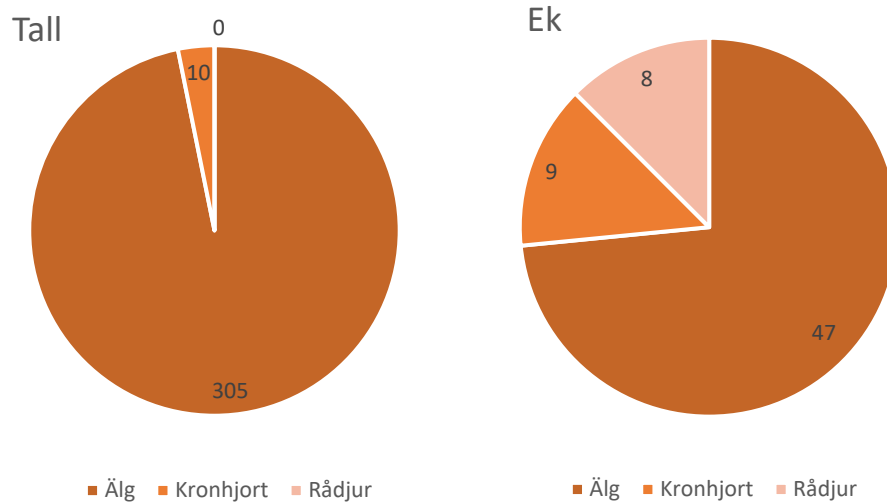


Bilaga 1. Slutrapport, Betesmönster hos klövdjur i flerartssystem



Figur 1. Diagram över fördelningen av hjortarter identifierade på skador på tall och ek.

Tabell 1. Antal insamlade betesprover från tall och ek. Medelvärde av hur många DNA-markörer som fungerade från mitokondriellt DNA.

	<i>Insamlat</i>	<i>Medel mito.</i>
<i>Tall</i>	408	88%
<i>Ek</i>	136	75%
<i>Totalt</i>	544	85%

Tabell 2. Antal prover som kunde identifieras till olika hjortarter totalt, per trädslag, kön, medelvärde av många DNA-markörer som fungerade från mitokondriellt DNA (Medel mito.), från cellkärnans DNA (Medel cellk.) och antal prover som hade tillräckligt hög DNA-kvalitet för att identifiera individer (#>90%).

	<i>Art ID</i>	<i>Tall</i>	<i>Ek</i>	<i>Kön ID</i>	<i>Hona</i>	<i>Hane</i>	<i>Medel mito.</i>	<i>Medel cellk.</i>	<i># >90%</i>
<i>Älg</i>	352	305	47	120	70	50	95%	43%	79
<i>Kronhjort</i>	19	10	9	5	4	1	91%	42%	2
<i>Rådjur</i>	8	0	8	0	0	0	94%	27%	0
<i>Dovhjort</i>	0	0	0	0	0	0	NA	NA	NA
<i>Totalt</i>	379	315	64	125	74	51			81

Tabell 3. Antal prover som kunde identifieras till olika hjortarter som kunde identifieras i olika områden.

		<i>Totalt</i>	<i>Tall</i>	<i>Ek</i>
<i>Halle- Hunneberg</i>	<i>Älg</i>	163	116	47
	<i>Kronhjort</i>	18	9	9
	<i>Rådjur</i>	8	0	8
<i>Skogaholm</i>	<i>Älg</i>	65	65	0
	<i>Kronhjort</i>	1	1	0
	<i>Rådjur</i>	0	0	0
<i>Björneborg</i>	<i>Älg</i>	44	44	0
	<i>Kronhjort</i>	0	0	0
	<i>Rådjur</i>	0	0	0
<i>Spannarboda</i>	<i>Älg</i>	80	80	0
	<i>Kronhjort</i>	0	0	0
	<i>Rådjur</i>	0	0	0